Comparer métaphylaxie et détection précoce

Une modélisation flexible et modulaire



Sébastien Picault P. Ezanno, S. Assié

BIOEPAR, INRA CRIStAL, Univ. Lille

12 mars 2019, ModStatSAP













Contexte et objectifs

Les bronchopneumonies infectieuses (BRD):

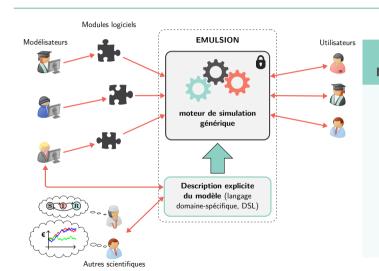
- maladies respiratoires multi-pathogènes (M. haemolytica, M. bovis...)
- ▶ petits lots (10) de jeunes bovins de boucherie → forte stochasticité
- ▶ prise de poids réduite (→ pertes économiques)
- deux objectifs majeurs :
 - réduire la durée totale d'infection à l'échelle du lot
 - raisonner l'usage des antibiotiques
- évaluer / comparer / combiner les mesures de maîtrises possibles

Objectifs méthodologiques:

- permettre une vérification des hypothèses du modèle par le vétérinaire
- ► faciliter la révision des hypothèses par les modélisateurs



Méthodes d'IA: framework EMULSION

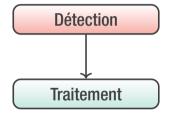


Cadre générique pour la modélisation épidémiologique

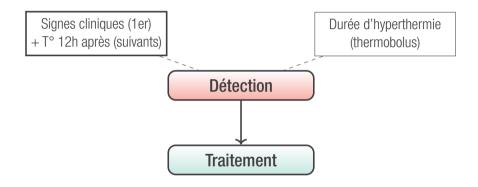
- modèle = texte structuré
- exploitable par le moteur de simulation
- interactions facilitées modélisateurs / autres scientifiques
- pas (peu) de code à écrire

[Picault & al. 2017]

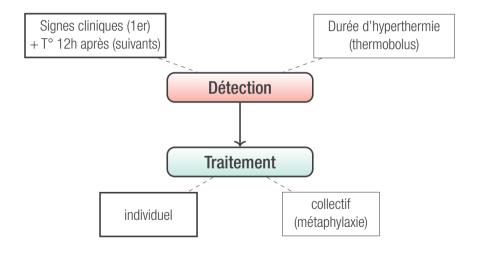




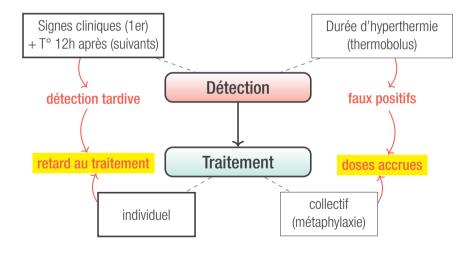




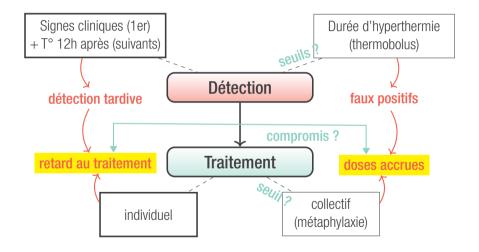






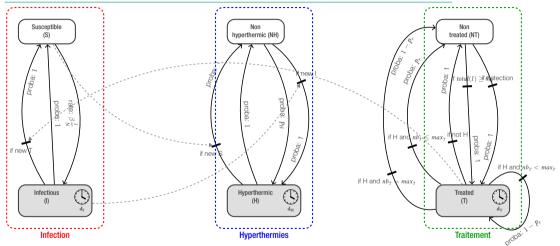








Modularité : trois processus couplés





Le modèle EMULSION: morceaux choisis

Processus (state machines)

```
state_machines:
 health state:
   desc: 'Description of the infectious process'
   states:
     - S:
         name: Susceptible
         desc: 'Suceptible of becoming infected'
     - T ·
         name: Infectious
         desc: 'Infected and able to transmit
         pathogens. When becoming I, the animal
         also becomes hyperthermic (H), both
         states having the same duration. I
         animals have different shedding levels.
         depending on the pathogen. When becoming
         S again, the animal also returns to
         normal temperature'
         duration: dur I
         on enter:
           - become: hyperthermic
   transitions.
     - {from: S, to: I, rate:
         total_force_of_infection}
     - {from: I, to: S, proba: 1}
```

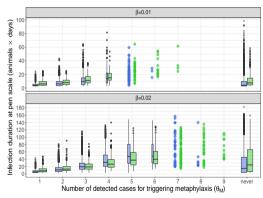
Paramètres et expressions

```
parameters:
 init pen size:
   desc: 'Initial size of the pen'
   value: 10
   source: 'consistent for a given pen type'
 total force of infection:
   desc: 'The force of infection depends on the
   sum of individual infectiousness and exposure
   to general microbism of the herd'
   value: 'external risk +
   (pen force of infection / total pen)'
detection:
   desc: 'Condition for detecting sick
   animals. If clinical signs are visible, they
   are always taken into account. Otherwise.
   detection may rely either on the usage of an
   intrarumen bolus, or on the detection of
   rectal hyperthermia by farmer.'
   value: 'OR(has_clinical_signs,
              IfThenElse(has bolus.
                         bolus_detection,
                         farmer detection))'
```

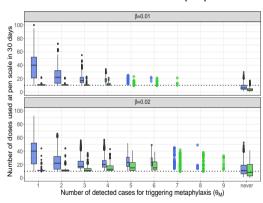


Effets de la métaphylaxie

Durée d'infection (lot)



Nombre de doses (lot)

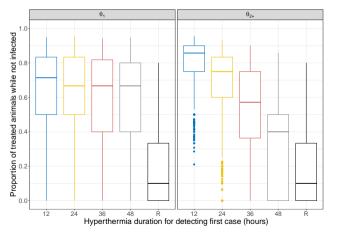


Detection method 🌼 clinical signs + bolus 🖨 reference scenario



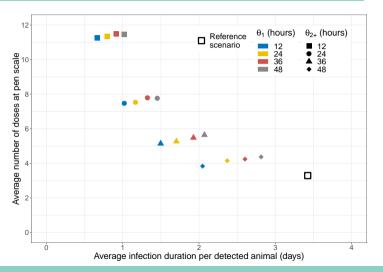
Limiter les faux positifs : durées-seuils d'hyperthermie

Seuil pour 1er cas vs. cas suivants



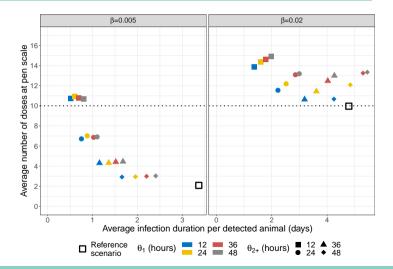


Durée d'infection vs. doses d'antibiotiques





Impact du taux de transmission





Résultats: BRD

Bilan

- ► comparaison de scénarios : méthodes de détection × protocoles de traitement
- identification des domaines d'efficacité des mesures de maîtrise
 - métaphylaxie pour taux de transmission élevés
 - traitement individuel sinon
- utilisation efficace des capteurs pour une détection précoce

[SVEPM, 2019]

 \rightarrow à tester sur le terrain!

- étude pour des lots de plus grande taille
- prise en compte plus fine de la diversité des pathogènes



Résultats: EMULSION

Bilan

- questionnement nouveau (raisonnement des traitements)
 - → modélisables sans fonctionnalités nouvelles
- ▶ accélération du temps de développement (~ 1 personne × mois)
- co-construction, révision, validation du modèle avec non-modélisateurs
- extension progressive du DSL + moteur de simulation
- maladies diversifiées : fièvre Q, BVD, RVF, campylobactériose, brucellose, SDRP...
- workshop de formation : SVEPM 2019
- ▶ diffusion open source: https://sourcesup.renater.fr/emulsion-public

