







Créer des classes de profils épidémiques et évaluer l'influence de l'hôte, du pathogène et du climat pour optimiser l'utilisation des résistances variétales

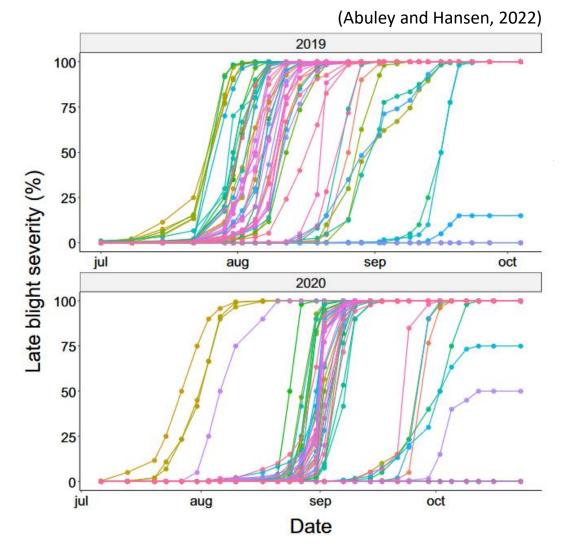
Delphine Chauvin





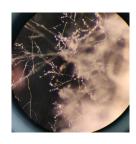
Profil épidémique et résistance variétale

- Quels profils épidémiques ?
- Lien avec résistance variétale (notation)
- Stabilité ou variabilité spatiale et temporelle ?
 - Variabilité temporelle (Abuley and Hansen, 2022) (Ericson, Müller and Burdon, 2017) (Hansen et al., 2007)
 - Variabilité spatiale (Hansen et al., 2007)
- Influence de l'hôte, du pathogène et de l'environnement ?



Abuley, I.K. and Hansen, J.G. (2022) 'Characterization of the Level and Type of Resistance of Potato Varieties to Late Blight (Phytophthora infestans)', *Phytopathology®*, 112(9) Ericson, L., Müller, W.J. and Burdon, J.J. (2017) '28-year temporal sequence of epidemic dynamics in a natural rust-host plant metapopulation', *Journal of Ecology*. Edited by A. Power, 105(3), Hansen, J.G. *et al.* (2007) 'Eucablight – collating and analysing pathogenicity and resistance data on a European scale*', *EPPO Bulletin*, 37(2)

Cas: mildiou sur pomme de terre



Mildiou :

- Phytophthora infestans,
- 1ère raison fongicides sur pomme de terre
- Maladie rapide et destructrice



- Grande culture mondiale
- Des gènes de résistances qualitative et quantitative
- A priori sur profils épidémiques (Van Der Plank, 1966)
 - Quali : décale le départ (ou pas de départ si non contournée)
 - Quanti : ralentit la progression
 - Quali + quanti : forte résistance
- Mieux connaître épidémies : profiter des résistances variétales et limiter les fongicides

1966] VAN DER PLANK: RESISTANCE AGAINST BLIGHT

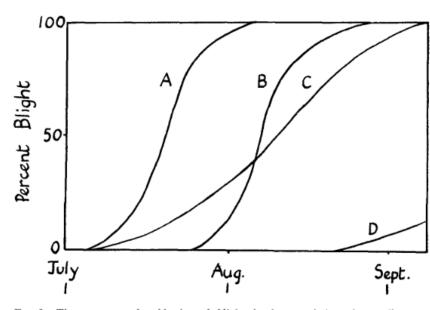


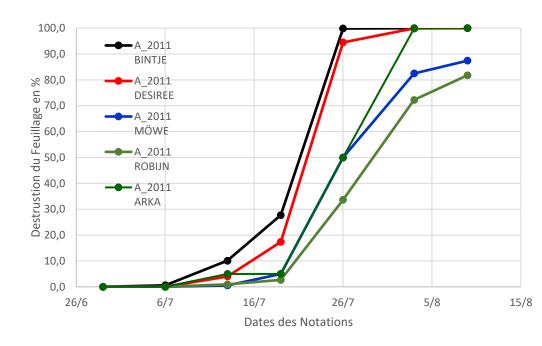
Fig. 3.—The progress of epidemics of blight in four varieties, shown diagrammatically. The variety A has no vertical resistance and small horizontal resistance; B has vertical resistance, but only the same small horizontal resistance as A; C has much horizontal resistance, but, like A, no vertical resistance; and D has vertical resistance — with the same R-genes as B — plus much horizontal resistance, the same as in C. The horizontal resistance in C and D is such that it reduces the infection rate to less than half of what it is in A and B; and the epidemic in D is consequently delayed more than twice as long as in B, both compared with A as the standard.

Van Der Plank, J.E. (1966) 'Horizontal (polygenic) and vertical (oligogenic) resistance against blight', American Potato Journal, 43(2)



Présentation des données : Notations maladie

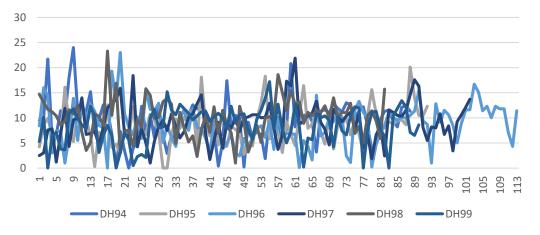
- Notes destruction feuillage sur des microparcelles
- 1 site: Ploudaniel
- 29 années : 1994 à 2022
- Notation CTPS + Projet Potstar (2000-2011)
- 201 Génotypes de pommes de terre :
 - 43 variétés : témoins et évaluées (1427 courbes)
 - 35 hôtes différentiels : gènes R connus (759 courbes)
 - 3+120 génotypes de sélection (340 courbes)



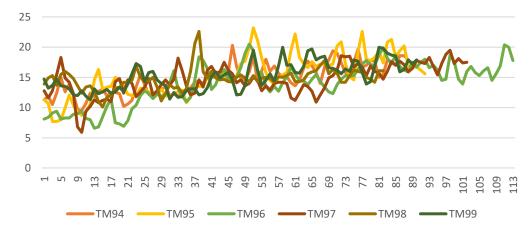
Présentation des données : Météo quotidienne

- Station météorologiques de Ploudaniel
 - Données quotidiennes
 - Période : plantation à récolte
 - Humidité : Durée d'humectation, Durée HR>80%, Durée HR>90% et Précipitations
 - Température : Moyenne, Minimale et Maximale
 - Vent : Vitesse et direction

Données quotidiennes de durée d'humectation de 94 à 99

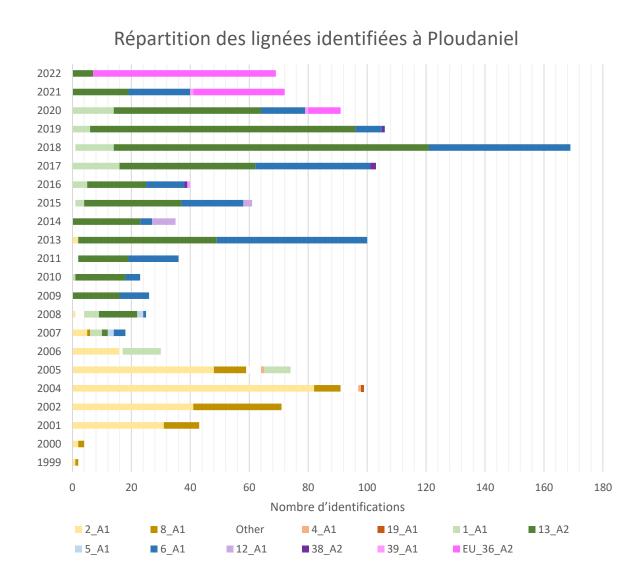


Données quotidiennes de température moyenne de 94 à 99



Présentation des données : Identifications des souches de *P.infestans*

- De 1999 à 2022
- Plusieurs isolats génotypés : lignées
- Lignées : ensemble de souches proches génétiquement avec des différences de phénotypes possibles



Objectifs

- Quels types d'épidémies différentes peut-on observer ?
- Quelle est l'influence de l'hôte, du pathogène et du climat sur cette typologie?

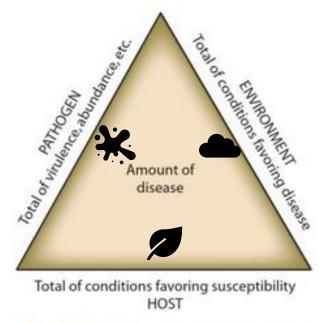
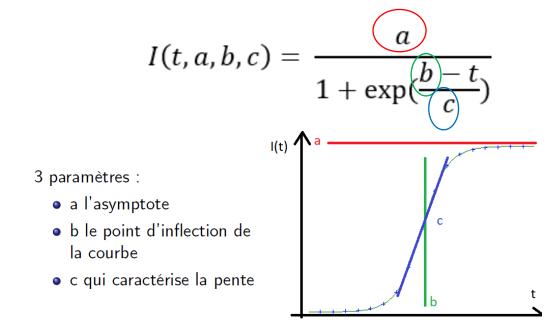


FIGURE 2-1 The disease triangle.

Agrios, G.N. (2005) Plant Pathology. Elsevier Academic Press.

Modélisation des épidémies

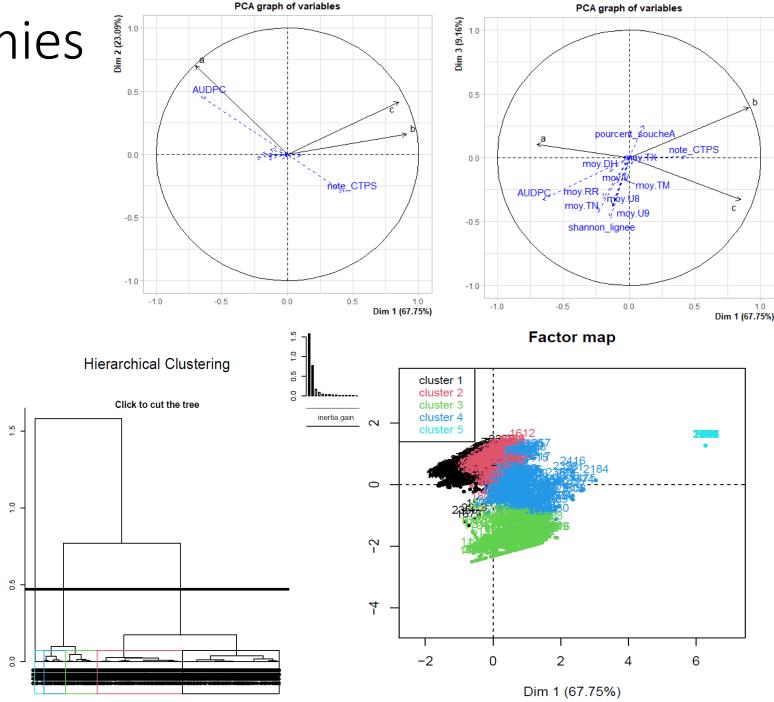
- Modèle de croissance logistique
- Ajustement : Méthode des moindres carrés
- Paramètres fixés si non identifiables



Typologie des épidémies

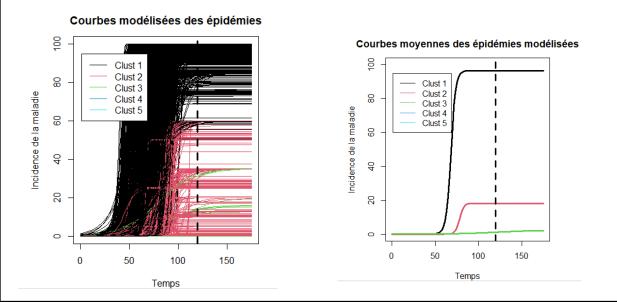
- ACP :
 - Variables explicatives : a, b, c
 - Variables illustratives :
 AUDPC, climat, note CTPS,
 souches majoritaires etc...

• HCPC:



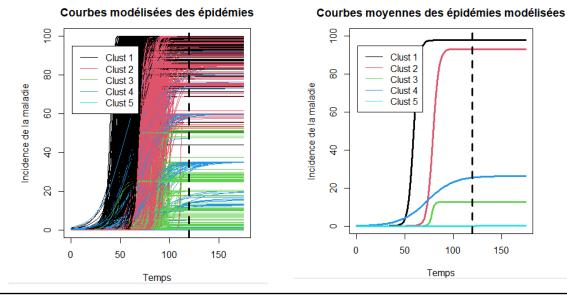
Nombre de clusters :

3 : 3 types attendus : sensibles, résistant, résistant total

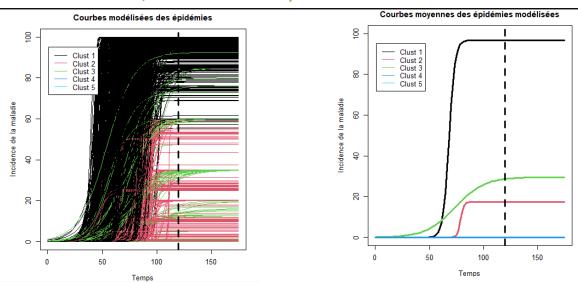


Courbes modélisées des épidémies

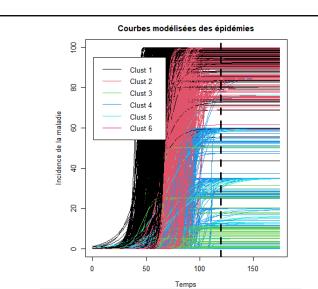
5 : comme 4 + possibilité de différencier des sensibles

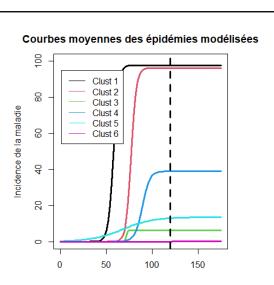


4 : intéressant car 4 types attendus (sensible, résistant lent, résistant décalé, résistant total)

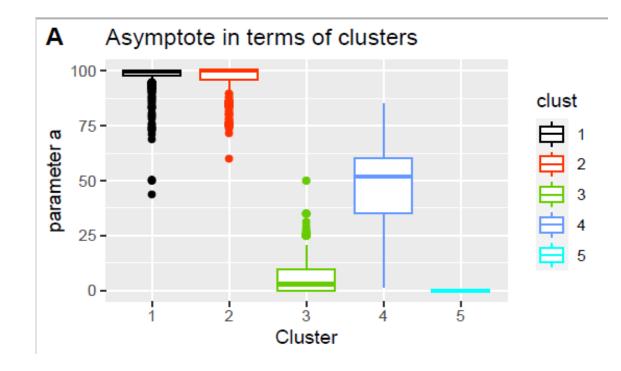


6 : division dans les résistants



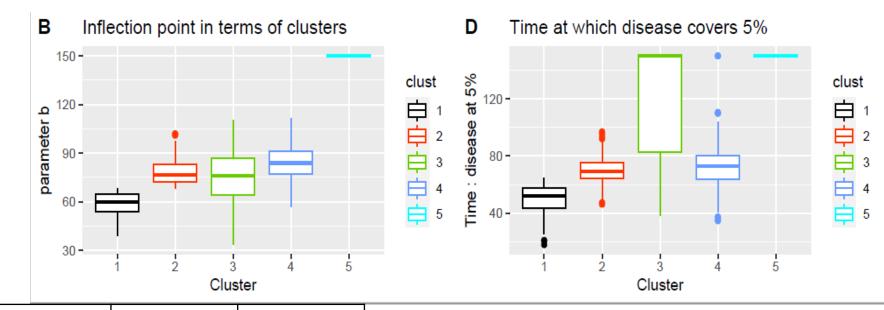


Asymptote



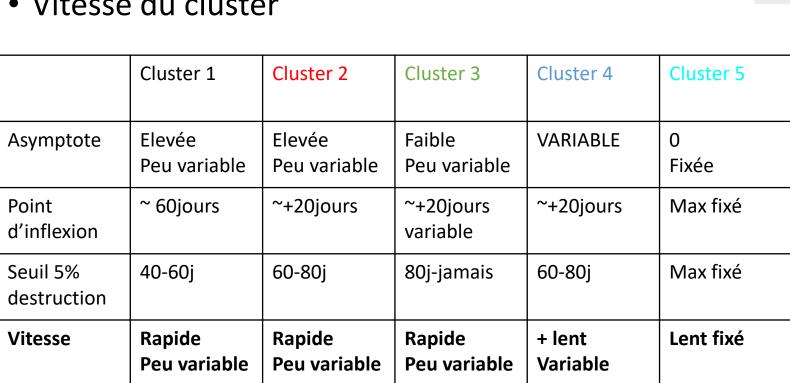
	Cluster 1	Cluster 2	Cluster 3	Cluster 4	Cluster 5
Asymptote	Elevée Peu variable	Elevée Peu variable	Faible Peu variable	VARIABLE	0 Fixée

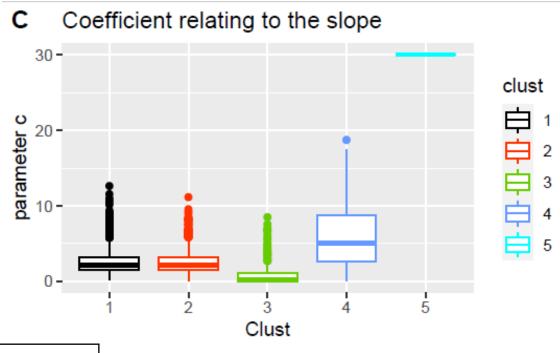
- Asymptote
- Point d'inflexion / démarrage des épidémies



	Cluster 1	Cluster 2	Cluster 3	Cluster 4	Cluster 5
Asymptote	Elevée Peu variable	Elevée Peu variable	Faible Peu variable	VARIABLE	0 Fixée
Point d'inflexion	~ 60jours	~+20jours	~+20jours variable	~+20jours	Max fixé
Seuil 5%	40.60:				
destruction	40-60j	60-80j	80j-jamais	60-80j	Max fixé

- Asymptote
- Point d'inflexion / démarrage des épidémies
- Vitesse du cluster





	Cluster 1	Cluster 2	Cluster 3	Cluster 4	Cluster 5
Asymptote	Elevée Peu variable	Elevée Peu variable	Faible Peu variable	VARIABLE	0 Fixée
Point d'inflexion	~ 60jours	~+20jours	~+20jours variable	~+20jours	Max fixé
Seuil 5% destruction	40-60j	60-80j	80j-jamais	60-80j	Max fixé
Vitesse	Rapide Peu variable	Rapide Peu variable	Rapide Peu variable	+ lent Variable	Lent fixé

Description

- Cluster 1 : Epidémies maximales
- Cluster 2 : Epidémies maximales retardées
- Cluster 3 : Epidémies minimales
- Cluster 4 : Epidémies intermédiaires et lentes
- Cluster 5 : Pas d'épidémies

Modélisations explicatives de la typologie

Données explicatives choisies

 Sélection des données conservées dans l'analyse

 Modélisation de l'assignation en clusters par random forest et régression logistique multinomiale

	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		
	Damana da tama	Variété	
Génétique	Pomme de terre	Note CTPS	
		1 ^{ère} lignée majoritaire	
		2 ^{ème} lignée majoritaire	
	Phytophthora infestans	Pourcentage de la 1ère lignée majoritaire	
		Période (définie selon les souches présentes)	
		Indice de Shannon (diversité) sur les lignées identifiées	
		Température moyenne	
	Température	Température minimale	
		Température maximale	
Climatique		Durée d'humectation	
	llumidit á	Précipitations	
	Humidité	Durée humidité>80%	
		Durée humidité>90%	
	Vont	Vitesse du vent	
	Vent	Orientation du vent	

Résultats principaux

		paax	RF	RLM
ne	Pomme de terre	Variété		
	Pomme de terre	Note CTPS		
	Phytophthora infestans	1 ^{ère} lignée majoritaire		
		2 ^{ème} lignée majoritaire		
Génétique		Pourcentage de la 1ère lignée majoritaire		
9		Période (définie selon les lignées présentes)		
		Indice de Shannon (diversité) sur les lignées identifiées		
	Température	Température moyenne		
Climatique		Température minimale		
		Température maximale		
		Durée d'humectation		
	Humidité	Précipitations		
		Durée humidité>80%		
		Durée humidité>90%		
	\/ont	Vitesse du vent		
	Vent	Orientation du vent		











Résultats principaux							
			RF CLUSTER 1	RF CLUSTER 2	RF CLUSTER 3	RF CLUSTER 5	
	Dommo do torro	Variété					
	Pomme de terre	Note CTPS					
		1 ^{ère} lignée majoritaire					
ne		2 ^{ème} lignée majoritaire					
Génétique	Phytophthora infestans	Pourcentage de la 1ère lignée majoritaire					
O		Période (définie selon les lignées présentes)					
		Indice de Shannon (diversité) sur les lignées identifiées					
	Température	Température moyenne					<u>∏≅</u>
		Température minimale					
		Température maximale					
dne	Humidité -	Durée d'humectation					
Climatique		Précipitations					
Clin		Durée humidité>80%					
		Durée humidité>90%					
	Vent	Vitesse du vent					
		Orientation du vent					

Perspectives

 Autres méthodes statistiques possibles

 Reprise des données avec caractérisation des résistances variétales

Conseil et OAD à adapter



